


<p>AOAC Lowlands Symposium</p>	<p>Snelle screening bij de poort - sturing van food & feed processing</p>	
<p>Datum & plaats</p>	<p>Donderdag 30 september 2021 NOVOTEL Dr. Batenburglaan 74 4837 BR Breda www.novotel.com</p>	
<p>Spreker</p>	<p>Dr. Eelco Franz Rijksinstituut voor Volksgezondheid en Milieu, Bilthoven, Nederland www.rivm.nl eelco.franz@rivm.nl</p>	
<p>Titel van de presentatie</p>	<p>Whole-genome-sequencing voor uitbraak- en bronopsporing van voedsel gerelateerde infecties (Case <i>Listeria</i>)</p>	
<p>Kort CV</p>	<p>Eelco Franz studeerde Biologie en heeft een PhD in microbiële risicobeoordeling (2007, Wageningen Universiteit). Van 2007-2010 werkte hij bij het RIKILT (Wageningen Universiteit) aan het modelleren van voedselveiligheid risico's. Van 2010 tot 2016 werkte hij bij het RIVM als onderzoeks-coördinator in de afdeling Voedsel van het centrum Zoönosen en Omgevingsmicrobiologie. Hij was daar ook verantwoordelijk voor het Nationaal Referentielaboratorium voor <i>E. coli</i>. Per september 2016 is hij hoofd van de afdeling Epidemiologie en surveillance van enterale infecties en zoönosen (GEZ) bij het centrum voor Epidemiologie van Infectieziekten (EPI Centrum Epidemiologie en Surveillance van infectieziekten) (RIVM).</p>	
<p>Samenvatting lezing</p>	<p>Het RIVM voert landelijke surveillance uit naar het voorkomen van verwekkers van gastro-intestinale infecties. Dit gebeurt o.a. door kiemsurveillance waarbij isolaten uit patiënten worden getypeerd met whole-genome-sequencing. Deze sequencing resultaten worden vergeleken met de die van isolaten uit voedsel (NVWA/WFSR). Op deze manier zijn we beter in staat clusters en uitbraken te herkennen en kunnen sneller potentiële bronnen geïdentificeerd worden. Dit wordt toegelicht aan de hand van <i>Listeria</i>.</p>	